



КОНГРЕСС ИССЛЕДОВАТЕЛЕЙ СИМБИОТИЧЕСКИХ СИСТЕМ

Сборник тезисов

6-11 Октября, 2025 г.
Москва

УДК 578.8, 581.557

М34 Материалы Конгресса исследователей симбиотических систем 6-11 октября 2025 года, г. Москва. Москва: ИПЭЭ РАН, 2025. – 306 с. DOI: 10.61726/7635.2025.82.30.001

Редактор-составитель – Гордеев И.И.

Верстка – Чигодаева С.С.

Оформление обложки, логотип конференции – Крупенко Д.Ю.

В оформлении обложки использованы фотографии Е. Давыдова, Е. Долгих, С. Коняева, Д. Крупенко, А. Миролубова, А. Селюка и Е. Фроловой.

ISBN 978-5-600-04857-7

© ИПЭЭ РАН, 2025

Изменчивость, видовое разнообразие и систематика трематод *Asymphylogorinae* Szidat, 1943

Ивашко Я.И. *, Атопкин Д.М.

Федеральный научный центр биоразнообразия наземной биоты
Восточной Азии ДВО РАН, Владивосток, Россия

* e-mail: ivashko.yana@bk.ru

На основании данных морфологии и изменчивости нуклеотидных последовательностей ДНК исследовано видовое разнообразие трематод подсемейства *Asymphylogorinae* на юге российского Дальнего Востока (РДВ) и европейской части России. Обосновано шесть новых видов рода *Parasymphylogora* и один вид рода *Asymphylogora*, циркулирующие через брюхоногих моллюсков *Bythinidae* и карповых рыб в Приморском крае РДВ. Впервые применены молекулярные характеристики в качестве диагностических признаков для делимитации таксонов родового уровня внутри подсемейства.

Для европейских видов *Asymphylogorinae* описано несколько морфотипов: пять для *P. markewitschi* и три – для *A. tincae*.

Показано, что видовое разнообразие трематод *Asymphylogorinae* значительно выше на юге РДВ, в то время как спектр окончательных хозяев трематод этой группы шире в европейской части России.

Впервые на основании оценки изменчивости частичных нуклеотидных последовательностей ITS1 яДНК и гена *cox1* мтДНК изучена генетическая структура популяции трематоды *Parasymphylogora ussuriensis*, циркулирующего через пресноводных брюхоногих моллюсков *Parafossarulus* spp. и карасей *Carassius gibelio* на юге РДВ. Выполнен сравнительный анализ генетической структуры популяций этого вида с таковой для трематоды *Carassotrema koreanum*, также циркулирующего через карасей *C. gibelio*, но использующего в жизненном цикле солоноватоводных моллюсков *Stenothyra*. Показано, что генетические структуры популяций изучаемых видов трематод значительно различаются. Вид *C. koreanum* по данным обладает довольно высоким уровнем изменчивости гена *cox1* мтДНК и выраженной гетерогенной генетической структурой популяции. Для вида *P. ussuriensis* показано отсутствие выраженной генетической структуры популяции и соответствие модели экспансии.

Выявленные популяционно-генетические различия двух видов трематод скорее связаны с их циркуляцией через разные виды брюхоногих моллюсков, относящихся к разным экологическим группам и имеющих разную эволюционную историю.

Variability, species diversity, and systematics of trematodes *Asymptylodorinae* Szidat, 1943

Ivashko Y.I. *, Atopkin D.M.

Federal Scientific Center of East Asia Terrestrial Biodiversity, Far Eastern Branch of
Russian Academy of Sciences, Vladivostok, Russia

* e-mail: ivashko.yana@bk.ru