

Биологические, молекулярные и эволюционные аспекты биоразнообразия трематод кефалевых рыб Восточно-Азиатского региона

Атопкин Д.М.

Федеральный научный центр биоразнообразия наземной биоты
Восточной Азии ДВО РАН, Владивосток, Россия
e-mail: atopkin@biosoil.ru

На основании анализа комплекса морфологических и молекулярных данных обосновано 23 новых таксона разного уровня, включая 1 подсемейство, 3 рода и 19 видов трематод семейств *Harpororidae*, *Harposplanchnidae*, *Lecithasteridae*, *Bivesiculidae* и *Monorchidae*, циркулирующих через кефалевых рыб Восточно-Азиатского региона. Дана комплексная характеристика для ранее описанных видов трематод кефалевых рыб исследуемого региона, включая типовые виды родов *Parasaccocoelium*, *Skrjabinolecithum* (*Harpororidae*) и *Harposplanchnus* (*Harposplanchnidae*).

Для представителей семейств *Harpororidae* и *Harposplanchnidae* показана несогласованность видовых морфологических и молекулярных признаков. Типовой вид рода *Skrjabinolecithum*, *S. spasskii* (*Harpororidae*), ранее охарактеризованный как генетически гетерогенный и широко распространенный вид, на самом деле представляет собой относительно однородный генетически, но морфологически изменчивый вид, ареал которого ограничен прибрежными водами Японского моря.

Результаты филогенетического анализа *Harpororidae* указывают на тропическое происхождение филогенетической линии видов рода *Parasaccocoelium* в пределах Восточно-Азиатского региона. Показано также, что подсемейства *Harpororinae* и *Pseudoharpororinae*, циркулирующие, соответственно, в Средиземноморье и Восточно-Азиатском регионе, филогенетически наиболее близки среди всех представителей кефалевых *Harpororidae*. Результаты подтвердили гипотезу роли кефалевых рыб как «экологического моста» для перехода гаплопорид с морской ихтиофауны на пресноводную.

Показано, что в пределах каждого изучаемого семейства трематод четко дифференцируются линии паразитов кефалевых рыб, за исключением *Harposplanchnidae*, где трематоды разных родов представляют собой глубоко дифференцированные линии, обладающие высоким морфологическим сходством. Среди кефалевых трематод *Monorchidae* (*Monorchata*) и *Harpororidae* (*Harpororata*) – сестринские группы, что указывает на общность происхождения и эволюционные взаимосвязи этих двух групп.

Biological, molecular, and evolutionary aspects of trematode biodiversity in mullet fish in the East Asian region

Atopkin D.M.

Federal Scientific Center of the East Asia Terrestrial Biodiversity FEB RAS, Vladivostok, Russia
e-mail: atopkin@biosoil.ru