

РОССИЙСКАЯ АКАДЕМИЯ НАУК
ИНСТИТУТ ПРОБЛЕМ ЭКОЛОГИИ И ЭВОЛЮЦИИ ИМ. А.Н. СЕВЕРЦОВА РАН
ТЕРИОЛОГИЧЕСКОЕ ОБЩЕСТВО ПРИ РАН



МЛЕКОПИТАЮЩИЕ В МЕНЯЮЩЕМСЯ МИРЕ: АКТУАЛЬНЫЕ ПРОБЛЕМЫ ТЕРИОЛОГИИ

XI СЪЕЗД ТЕРИОЛОГИЧЕСКОГО ОБЩЕСТВА ПРИ РАН

**Материалы конференции с международным участием
14–18 марта 2022 г., г. Москва, ИПЭЭ РАН**



Товарищество научных изданий КМК
Москва 2022

Млекопитающие в меняющемся мире: актуальные проблемы териологии (XI Съезд Териологического общества при РАН). Материалы конференции с международным участием, 14–18 марта 2022 г., г. Москва, ИПЭЭ РАН. М.: Тов-во научных изданий КМК. 2022. 430 с.

Сборник включает материалы докладов участников конференции с международным участием «Млекопитающие в меняющемся мире: актуальные проблемы териологии» (XI Съезд Териологического общества при РАН) (14–18 марта 2022 г., г. Москва, ИПЭЭ РАН). На конференции рассматриваются следующие вопросы: систематика, филогения и видообразование у млекопитающих, филогеография и структура вида, зоогеография и фаунистика, экология млекопитающих, использование ресурсов и сохранение млекопитающих, поведение и коммуникация млекопитающих, экологическая физиология млекопитающих, медицинская териология, паразиты и болезни млекопитающих, морфология млекопитающих, палеотериология.

Конференция проведена при поддержке АНО «Общество сохранения и изучения дикой природы и содействия развитию социальных программ», Московского зоопарка, АНО «Эс-Пас», CLS (Франция), Международного экологического фонда «Чистые моря».

Страница конференции на сайте Териологического общества при РАН:
<https://therio.ru/conference/theriosyez2022/>

Контакты:

Институт проблем экологии и эволюции им. А.Н. Северцова РАН
119071, г. Москва, Ленинский проспект, д. 33
theriological.society@gmail.com



На обложке: рисунок В.М. Смирин «Сайгаки» из коллекции В.В. Рожнова.

ПРОГРАММНЫЙ КОМИТЕТ

Рожнов В.В., академик РАН
(ИПЭЭ РАН, Москва, Президент Териологического общества при РАН)

Большаков В.Н. академик РАН
(ИЭРиЖ УрО РАН, Екатеринбург, почетный президент Териологического общества при РАН)

Антоневич А.Л., к.б.н.
(ИПЭЭ РАН, Москва, ученый секретарь Териологического общества при РАН)

Абрамов А.В., д.б.н. (ЗИН РАН, Санкт-Петербург)
Абрамсон Н.И., к.б.н. (ЗИН РАН, Санкт-Петербург)
Баклушинская И.Ю., д.б.н. (ИБР РАН, Москва)
Банникова А.А., д.б.н. (Биофак МГУ, Москва)
Брандлер О.В., к.б.н. (ИБР РАН, Москва)
Крускоп С.В., к.б.н. (Зоомузей МГУ, Москва)
Лавренченко Л.А., д.б.н. (ИПЭЭ РАН, Москва)
Лисовский А.А., к.б.н. (ИПЭЭ РАН, Москва)
Литвинов Ю.Н., д.б.н. (ИСиЭЖ СО РАН, Новосибирск)
Магомедов М.-Р.Д., член-корреспондент РАН (ПИБР ДНЦ РАН, Махачкала)
Мещерский И.Г., к.б.н. (ИПЭЭ РАН, Москва)
Монахов В.Г., д.б.н. (ИЭРиЖ УрО РАН, Екатеринбург)
Москвитина Н.С., д.б.н. (ТГУ, Томск)
Найденко С.В., д.б.н. (ИПЭЭ РАН, Москва)
Охлопков И.М., к.б.н. (ИБПК СО РАН, Якутск)
Панченко Д.В., к.б.н. (ИБ КарНЦ РАН, Петрозаводск)
Савельев А.П., д.б.н. (ВНИИОЗ, Киров)
Середкин И.В., к.б.н. (ТИГ ДВО РАН, Владивосток)
Стахеев В.В., к.б.н. (ЮНЦ РАН, Ростов-на-Дону)
Суров А.В., член-корреспондент РАН (ИПЭЭ РАН, Москва)
Темботова Ф.А., член-корреспондент РАН (ИЭГТ РАН, Нальчик)
Тесаков А.С., к.г.-м.н. (ГИН РАН, Москва)
Титов С.В., д.б.н. (ПГУ, Пенза)
Феоктистова Н.Ю., д.б.н. (ИПЭЭ РАН, Москва)
Фрисман Л.В., д.б.н. (ИКАРП ДВО РАН, Биробиджан)
Холодова М.В., д.б.н. (ИПЭЭ РАН, Москва)
Чабовский А.В., д.б.н. (ИПЭЭ РАН, Москва)
Эрнандес-Бланко Х.А., к.б.н. (ИПЭЭ РАН, Москва)

ФИЛОГЕОГРАФИЯ *MYOTIS LONGICAUDATUS* В СИБИРИ И НА ДАЛЬНЕМ ВОСТОКЕ

Казakov Д.В.¹, Крусков С.В.², Каваи К.³, Горобейко У.В.⁴, Шумкина А.П.⁵

¹Тюменский государственный университет

²Зоологический музей МГУ им. М.В. Ломоносова;

³Университет Токай (филиал Саппоро);

⁴Федеральный научный центр биоразнообразия Дальневосточного отделения РАН;

⁵Иркутский государственный университет

kazakov.denis.95@mail.ru

Длиннохвостая ночница (*Myotis longicaudatus*), несмотря на обширный ареал, остается одним из слабо изученных видов рукокрылых. География нашего молекулярно-генетического исследования охватывает Алтай, Кузнецкий Алатау, юж. Прибайкалье, сев. Монголию, Забайкалье, юж. Приморье, Сахалин, Кунашир, Хоккайдо и Хонсю. Материалом послужили как экземпляры коллекционных фондов Зоологического музея МГУ (n=13), Сибирского зоологического музея, Новосибирск (n=2) и рабочей коллекции К. Каваи (n=7), так и экземпляры, отловленные нами у входов в пещеры или в местах кормления в летний период 2019-2021 гг. (n=26). Также были использованы последовательности из с.-в. Китая, Южной Кореи и Хоккайдо (n=4), депонированные в GenBank. Методами морфометрии было исследовано 84 экземпляра.

Медианная сеть гаплотипов и филогенетическое дерево, построенные на основании последовательностей гена *cyt b* (1140 п. о., n=52) мтДНК, обнаруживают 3 гаплогруппы / клады, соответствующие трём ранее описанным морфологическим подвидам – *M. l. kaguyae*, *M. l. longicaudatus* и *M. l. eniseensis*. Средние р-дистанции между подвидами: *kaguyae/longicaudatus* 0.48%, *kaguyae/eniseensis* 0.92%, *longicaudatus/eniseensis* 0.97%. По данным краниометрии достаточно надёжно отличается лишь *M. l. eniseensis*. Дискриминантный анализ позволяет разделить *M. l. longicaudatus* и *M. l. kaguyae*, при этом животные с Хоккайдо занимают промежуточное положение.

M. l. kaguyae обитает на Хоккайдо, Хонсю, Сахалине и Кунашире. На Кунашире вид зарегистрирован нами впервые. Внутри клады базальное положение занимают ветви с Хонсю, хотя и с низкой поддержкой. На медианной сети один из гаплотипов с Хонсю занимает максимально близкое положение к *M. l. eniseensis*.

M. l. longicaudatus населяет Южную Корею, с.-в. Китай, Приморье и Приамурье вплоть до Большого Хингана. Т.е. распространение *M. l. longicaudatus* чётко связано с влажной Восточной Азией и поясом широколиственных / хвойно-широколиственных лесов. Верхнее Приамурье – возможная зона контакта с *M. l. eniseensis*. Судя по генетическому разнообразию, юг Приморья – возможный рефугиум и центр расселения этого подвида.

Современный ареал *M. l. eniseensis* протянулся от Алтая и верхнего течения р. Обь до Большого Хингана на 2 500 км. Мы впервые зарегистрировали вид в Забайкалье, закрыв, таким образом, «зabayкальский разрыв» ареала. Центром генетического разнообразия и, соответственно, вероятным центром расселения *M. l. eniseensis* является южное Прибайкалье, которое могло быть рефугиумом в последний ледниковый максимум. Оттуда расселение *M. l. eniseensis* шло одновременно в двух направлениях – на запад и восток.

Таким образом, современный ареал *M. longicaudatus* является относительно непрерывным, протянувшись только в своей материковой части с востока на запад на 4 000 км.

Работа выполнена при финансовой поддержке гранта РНФ 22-24-00017.